CODE	PRESTATIONS	Méthode	Paramètre accrédité	Agrément	Informations	€HT
			COFRAC	ministériel	complémentaires	
	UNI	TE VEGETAUX				
JV	Forfait urgence végétaux			l l	Par échantillon	6.37
		SUR PLANTES ET SEMENCES F	PAR FLISA OLI M		ar continuion	0.01
RMV	ArMV - Arabis mosaic nepovirus	MOA008 - W/04/05 vers. B	AR ELIOA GO III			25.00
BRMV	BBrMV - Banana bract mosaic potyvirus	MOA 005 partie A vers. 2a				37.13
BTV	BBTV - Banana bunchy top virus	MOA 008 - MOA 014 partie A - protocole fournisseur				25.00
NYVV	BNYVV - Beet western yellow vein furovirus sur plantes	MOA008 - MOA 011 partie B vers. 1a	х	х		25.00
NYVV	BNYVV - Beet western yellow vein furovirus sur terre	MOA008 - MOA 011 partie B vers. 1a				25.00
YLCV	TYLCV - Tomato yellow leafcurl begomovirus plantes et parties de plantes	MOA008 - VH/01/03 vers. a	Х	х		25.00
SVD	CSVd - Chrysanthemum stunt viroid	MOA022	^	^		37.13
TV	CTV - Citrus tristeza potyvirus	MOA008				25.00
VYV	CVYV - Cucumber vein yellowing ipomovirus	MOA022				37.13
YSDV	CYSDV - Cucumber yellow stunting disorder crinivirus	MOA008				25.00
YSDV2	CYSDV - Cucumber yellow stunting disorder crinivirus (RT-PCR)	MOA022				37.13
MV	CMV - Recherche du cucumber Mosaic Virus	MOA008 - MOA 009 vers. 2a				25.00
NSV	INSV - Impatiens necrotic spot tospovirus	MOA008 - VH/04/08 vers. A		X		25.00
/SV	IYSV - Iris yellow spot tospovirus	MOA008 - Protocole fournisseur				25.00
EPMV	PepMV - Pepino mosaic potexvirus plante	MOA008 MOA 026 version 2a	Х	Х		25.00
EPMV	PepMV - Pepino mosaic potexvirus PLANTS DE PEPINIERES (un lot = 20x15 folioles)	MOA 008 MOA 026 version 2a	x	x		25.00
RPMVS	PepMV - Pepino mosaic potexvirus SEMENCES (lots de 10, 25 ou 50 sous échantillons)	MOA008 - MOA 026 version 2a	х	х		25.00
PV	PPV - Plum pox potyvirus - virus de la Sharka	MOA008 - MOA021 vers. 1a		х		25.00
PVT	PPV - Plum pox potyvirus - typage du virus de la Sharka	MOA008 - MOA021 vers. 1a				37.13
NRSV	PNRSV - Prunus necrotic ringspot ilavirus	MOA 008				25.00
STVD	PSTVd - Potato spindle tuber viroid	MOA 022				37.13
RSV	RRSV - Rapsberry ringspot nepovirus	MOA 008				25.00
TOL	Stolbur	MOA 008				37.13
LRV	SLRV - Strawberry lalent ringspot virus	MOA 008				25.00
MYEV	SMYEV - Strawberry mild yellow edge virus	MOA 008 - VH/05/11a				25.00
BRV	TBRV - Tobacco black ring nepovirus	MOA 008				25.00
RSV	TRSV - Tobacco ringsopt nepovirus	MOA008 - VH1/06/01 vers. A				25.00
ICV	TICV - Tobacco infectious chlorotic crinivirus	MOA022				37.13
EV OCV	TEV - Tobacco etch virus ToCV - Tomato chlorotic crinivirus	MOA 008 MOA022				25.00 37.13
ORSV	ToRSV - Tomato eniorotic eninvirus Torsv - Tomato ringspot virus	MOA008 - VH/06/13 vers. a		+		25.00
SWV	TSWV - Tomato hingspot virus TSWV - Tomato spotted wilt tospovirus sur plantes	MOA008 - VH/04/08 vers. A	Х	X		25.00
BSV	TBSV - Tomato bushy stunt virus	MOA 008	^			25.00
SMV	BSMV - Barley Stripe Mosaic Virus	MOA 008				25.00
YDV	BYDV (PAV+MAV)	MOA008 - Protocole fournisseur				25.00
/DV	WDV	MOA008 - Protocole fournisseur				25.00
PHYTOP	Détection de virus et phytoplasmes (pomme de terre)	MOA008 - VH/02/04				25.00
VIG	Détection des virus dans la vigne (Vitis sp)	MOA 008 - VV04/05				25.00
/DVPCR	Recherche du virus des pieds chétifs du blé (WDV) sur insectes par méthode PCR	Méthode interne				30.90
YDVPCR	Recherche du virus de la jaunisse nanisante de l'orge (BYDV) sur insectes par méthode PCR					30.90
	ANALYSES VIROLOGIQUES SUR LES MAT	Méthode interne FRIFI S DE MUI TIPI ICATION V	FGETATIVE DE	I A VIGNE		
N/ECE1		MOA008 - VV/04/05 vers. b				T
AVVEGF1	Sur feuille : 1 virus détecté parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 :	MOA008 - VV/04/05 vers. b				l
	de 1 à 9 échantillons			1		13.79
	de 10 à 49 échantillons			1		10.61
	de 50 à 99 échantillons			1		8.49
	plus de 100			1		6.37
AVVEGF2	Sur feuille : 2 virus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 :	MOA008 - VV/04/05 vers. b				
VVEGF2				1		
VVEGF2	de 1 à 9 échantillons					16.44
VVEGF2	de 1 à 9 échantillons de 10 à 49 échantillons de 50 à 99 échantillons					16.44 13.26 11.14

RECHERCHE ET DEVELOPPEMENT

it virus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : intillons hantillons hantillons hantillons hantillons hantillons si virus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : intillons hantillons si virus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : intillons hantillons hantillons virus détecté parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : intillons hantillons virus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : intillons hantillons virus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : intillons hantillons hantillons virus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : intillons hantillons	Méthode MOA008 - VV/04/05 vers. b	COFRAC	ministériel	complémentaires	19.10 15.91 13.79 11.67 21.75 18.57 16.44 14.32 24.40 21.22 19.10 16.97 15.91 12.73 10.61 8.49 18.57 15.38 13.26 11.14 21.22 18.04 15.91 13.79
intillons hantillons hantillons ivirus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3: millions hantillons hantillons ivirus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3: millions hantillons hantillons hantillons hantillons ivirus détecté parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3: millions hantillons hantillons ivirus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3: millions hantillons ivirus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3: millions hantillons	MOA008 - VV/04/05 vers. b				15.91 13.79 11.67 21.75 18.57 16.44 14.32 24.40 21.22 19.10 16.97 15.91 12.73 10.61 8.49 18.57 15.38 13.26 11.14 21.22 18.04 15.91
hantillons hantillons ivirus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3: millions hantillons hantillons hantillons ivirus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3: millions hantillons hantillons ivirus détecté parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3: millions hantillons ivirus détecté parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3: millions hantillons ivirus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3: millions hantillons ivirus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3: millions hantillons	MOA008 - VV/04/05 vers. b				15.91 13.79 11.67 21.75 18.57 16.44 14.32 24.40 21.22 19.10 16.97 15.91 12.73 10.61 8.49 18.57 15.38 13.26 11.14 21.22 18.04 15.91
il virus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : Intillons hantillons hantillons ivirus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : Intillons hantillons hantillons hantillons ivirus détecté parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : Intillons hantillons hantillons hantillons hantillons hantillons ivirus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : Intillons hantillons	MOA008 - VV/04/05 vers. b				11.67 21.75 18.57 16.44 14.32 24.40 21.22 19.10 16.97 15.91 12.73 10.61 8.49 18.57 15.38 13.26 11.14 21.22 18.04 15.91
intillons hantillons ivirus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3: millions hantillons hantillons hantillons ivirus détecté parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3: millions hantillons hantillons ivirus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3: millions hantillons ivirus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3: millions hantillons	MOA008 - VV/04/05 vers. b				21.75 18.57 16.44 14.32 24.40 21.22 19.10 16.97 15.91 12.73 10.61 8.49 18.57 15.38 13.26 11.14 21.22 18.04 15.91
intillons hantillons ivirus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3: millions hantillons hantillons hantillons ivirus détecté parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3: millions hantillons hantillons ivirus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3: millions hantillons ivirus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3: millions hantillons	MOA008 - VV/04/05 vers. b				18.57 16.44 14.32 24.40 21.22 19.10 16.97 15.91 12.73 10.61 8.49 18.57 15.38 13.26 11.14
hantillons ivirus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3: intillons hantillons ivirus détecté parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3: intillons hantillons hantillons hantillons ivirus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3: intillons hantillons	MOA008 - VV/04/05 vers. b MOA008 - VV/04/05 vers. b MOA008 - VV/04/05 vers. b				16.44 14.32 24.40 21.22 19.10 16.97 15.91 12.73 10.61 8.49 18.57 15.38 13.26 11.14 21.22 18.04 15.91
ivirus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : mitilions hantilions irirus détecté parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : mitilions hantilions	MOA008 - VV/04/05 vers. b MOA008 - VV/04/05 vers. b MOA008 - VV/04/05 vers. b				14.32 24.40 21.22 19.10 16.97 15.91 12.73 10.61 8.49 18.57 15.38 13.26 11.14 21.22 18.04 15.91
intillons hantillons hantillons irirus détecté parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : intillons hantillons hantillons hantillons irirus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : intillons hantillons irirus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : intillons hantillons	MOA008 - VV/04/05 vers. b MOA008 - VV/04/05 vers. b MOA008 - VV/04/05 vers. b				24.40 21.22 19.10 16.97 15.91 12.73 10.61 8.49 18.57 15.38 13.26 11.14
intillons hantillons hantillons irirus détecté parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : intillons hantillons hantillons hantillons irirus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : intillons hantillons irirus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : intillons hantillons	MOA008 - VV/04/05 vers. b MOA008 - VV/04/05 vers. b MOA008 - VV/04/05 vers. b				21.22 19.10 16.97 15.91 12.73 10.61 8.49 18.57 15.38 13.26 11.14 21.22 18.04 15.91
hantillons rirus détecté parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : millions hantillons hantillons rirus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : millions hantillons	MOA008 - VV/04/05 vers. b MOA008 - VV/04/05 vers. b				19.10 16.97 15.91 12.73 10.61 8.49 18.57 15.38 13.26 11.14 21.22 18.04 15.91
rirus détecté parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : nntillons hantillons	MOA008 - VV/04/05 vers. b MOA008 - VV/04/05 vers. b				16.97 15.91 12.73 10.61 8.49 18.57 15.38 13.26 11.14 21.22 18.04 15.91
ntillons hantillons hantillons rirus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3: ntillions hantillons hantillons rirus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3: ntillons hantillons hantillons rirus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3: ntillons hantillons hantillons hantillons hantillons hantillons hantillons hantillons hantillons	MOA008 - VV/04/05 vers. b MOA008 - VV/04/05 vers. b				15.91 12.73 10.61 8.49 18.57 15.38 13.26 11.14 21.22 18.04 15.91
ntillons hantillons hantillons rirus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3: ntillions hantillons hantillons rirus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3: ntillons hantillons hantillons rirus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3: ntillons hantillons hantillons hantillons hantillons hantillons hantillons hantillons hantillons	MOA008 - VV/04/05 vers. b				12.73 10.61 8.49 18.57 15.38 13.26 11.14 21.22 18.04 15.91
hantillons virus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : mitillons hantillons hantillons virus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : mitillons hantillons	MOA008 - VV/04/05 vers. b				10.61 8.49 18.57 15.38 13.26 11.14 21.22 18.04 15.91
virus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : nntillons hantillons virus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : nntillons hantillons virus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : nntillons hantillons hantillons hantillons hantillons hantillons	MOA008 - VV/04/05 vers. b				8.49 18.57 15.38 13.26 11.14 21.22 18.04 15.91
ntillons hantillons hantillons //rrus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : intillons hantillons //rrus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : intillons hantillons hantillons //rrus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : intillons //rrus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 :	MOA008 - VV/04/05 vers. b				18.57 15.38 13.26 11.14 21.22 18.04 15.91
ntillons hantillons hantillons //rrus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : intillons hantillons //rrus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : intillons hantillons hantillons //rrus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : intillons //rrus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 :					15.38 13.26 11.14 21.22 18.04 15.91
hantillons virus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : ntillons hantillons hantillons virus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : ntillons hantillons hantillons hantillons virus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 :					13.26 11.14 21.22 18.04 15.91
virus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : ntillons hantillons hantillons virus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : ntillons hantillons hantillons virus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 :					21.22 18.04 15.91
ntillons hantillons hantillons virus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : ntillons hantillons hantillons virus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 :					21.22 18.04 15.91
ntillons hantillons hantillons virus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : ntillons hantillons hantillons virus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 :					18.04 15.91
hantillons virus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : untillons hantillons hantillons virus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 :	MOA008 - VV/04/05 vers. b				18.04 15.91
hantillons virus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : intillons hantillons hantillons virus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 :	MOA008 - VV/04/05 vers. b				15.91
ntillons hantillons hantillons virus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 :	MOA008 - VV/04/05 vers. b				13.79
ntillons hantillons hantillons virus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 :	MOA008 - VV/04/05 vers. b				1
hantillons hantillons virus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 :			1		20.55
hantillons virus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 :					23.87
					18.57
					16.44
intillons	MOA008 - VV/04/05 vers. b				
hantillons					26.52 23.34
hantillons					21.22
					19.10
l virus détecté parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 :	MOA008 - VV/04/05 vers. b				
intillons					15.91
hantillons hantillons					12.73 10.61
					8.49
2 virus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 :	MOA008 - VV/04/05 vers. b				
intillons					18.57
hantillons hantillons					15.38 13.26
					11.14
3 virus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 :	MOA008 - VV/04/05 vers. b				
intillons					21.22
hantillons					18.04 15.91
nantillons					13.79
l virus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 :	MOA008 - VV/04/05 vers. b				1
intillons					23.87
hantillons				· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	20.69
hantillons					18.57 16.44
5 virus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 :	MOA008 - VV/04/05 vers. b				1
intillons					26.52
hantillons					23.34
hantillons					21.22 19.10
DETECTION	ON DE BACTERIES	I			19.10
-					
winia amylovora à partir de végétal symptomatique	BL/05/07				55.00
nce de Xylophilus ampelinus sur vigne (Vitis spp) - PCR	MOA027-parties A et B				50.00
nce de Xylophilus ampelinus sur vigne (Vitis spp) - Immunofluorescence		1	+		40.00
	·	-			+
		*			40.00
			Х		40.00
Clavibacter michiganensis subsp michiganensis par PCR Ralstonia solanacearum - Immunofluorescence indirecte	Directive 2006/56 MOA010 - Directive 2006/63	x	x		50.00 40.00
Ralstonia solanacearum par PCR	Directive 2006/63		X		50.00
DETECTION ET IDENT	TIFICATION DE CHAMPIGNO	ONS			
Monilinia (en complément d'une recherche de Monilinia fructicola ou laxa ou	Méthode interne				31.83
Fusicoccum amvodali					59.74
Pusicoccum amygoaii Chalara fraxinea	MOA 001 vers. 1a		х		60.00
	MOA 003 Partie B		X		60.00
	MOA 003 Partie A et C				115.00 135.00
Gibberella sur tissus végétatifs (PCR + culture)	ML/05/19 a MOA025	+	Х		135.00 60.00
Gibberella sur tissus végétatifs (PCR + culture) Ciborinia camelliae sur fleurs					55.17
Gibberella sur tissus végétatifs (PCR + culture)	·	1		·	55.17 135.00
in h h h v n n c c c c c c c c	intilions intilions intilions virus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : intilions intili	matilions virus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : MOA008 - VV/04/05 vers. b millions virus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : MOA008 - VV/04/05 vers. b millions virus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : MOA008 - VV/04/05 vers. b millions virus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : MOA008 - VV/04/05 vers. b millions DETECTION DE BACTERIES MOA008 - VV/04/05 vers. b millions DETECTION DE BACTERIES MOA027-parties A et B millions millions MOA027-parties A et B moatilions MOA010 - Biv/06/01 a-parties A et B moatilions MOA010 - Biv/06/01 a-parties A et B moatilions MOA010 - Directive 2006/56 moatilions DIrective 2006/56 MOA010 - Directive 2006/53 Directive 2006/56 Directive 2006/56 MOA010 - Directive 2006/53 Directive 2006/53 Directive 2006/53 Directive 2006/53 Directive 2006/53 Monilinia (en complément d'une recherche de Monilinia fructicola ou laxa ou Méthode interne Monilinia (en complément d'une recherche de Monilinia fructicola ou laxa ou Méthode interne Monilinia (en complément d'une recherche de Monilinia fructicola ou laxa ou Méthode interne Monilinia fructicola sur fruits , fleurs et tissus lignifiés MOA003 Partie A et C MUDS/19 a Monilinia fructicola sur fruits , fleurs et tissus lignifiés MOA025	matillons virus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : MOA008 - VV/04/05 vers. b millions matillons virus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : MOA008 - VV/04/05 vers. b millions virus détectés parmi GFLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : MOA008 - VV/04/05 vers. b millions mantillons DETECTION DE BACTERIES DETECTION DE BACTERIES DETECTION DE BACTERIES BL/05/07 MOA027-parties A et B MOA010 - BV/06/01 a-parties A et B MOA010 - BV/06/01 a-parties A et B MOA010 - BV/06/01 a-parties A et B MOA010 - BV/06/01 a Directive 2006/56 Xalstonia solanacearum - Immunofluorescence indirecte MOA010 - Directive 2006/56 MOA010 - Directive 2006/56 MOA010 - Directive 2006/63 Xalstonia solanacearum - par PCR Directive 2006/63 DETECTION ET IDENTIFICATION DE CHAMPIGNONS Méthode interne Móde 000 Partie B Méthode interne Móde 000 Partie B Móde 000 Partie A et C Millinia fractigena par PCR classique Mollinia fractigena par PCR classique Mollinia fractigena par PCR classique	institions anatitions anatitions anatitions millions DETECTION DE BACTERIES DETECTION DE BACTERIES DETECTION DE BACTERIES DETECTION DE BACTERIES MOA027-parties A et B MOA027-parties A et B MOA010 - Bu/06/01 a- partie A et B MoA010 - Bu/06/01 a- parties A et B MoA01	Amerillions MOA008 - VVI0495 vers. b Writus détectés parmi GPLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : MOA008 - VVI0495 vers. b Writus détectés parmi GPLV, ArMV, GLRaV1, GLRaV2 et GLRaV3 : MOA008 - VVI0495 vers. b WOA008 - VVI0495 vers. b WOA009 - VV

Prestations 2014 2/3

RECHERCHE ET DEVELOPPEMENT								
CODE	PRESTATIONS	Méthode	Paramètre accrédité COFRAC	Agrément ministériel	Informations complémentaires	€HT		
MYCODP	Détection de Mycosphaerella dearnessii ou M. pini sur aiguilles	MOA 002		Х		135.00		
MELAMT	Détection de Melampsora medusae Thumen	MOA 031				50.00		
CRY	Détection de Cryphonectria parasitica sur branches ou tronc	MF/97/04B				135.00		
FUSA	Détection des espèces de Fusarium spp et Microdochium nivale sur grains de céréales	MH/03/16B		х		115.00		
FUSAI	Identification des espèces de Fusarium spp et Microdochium nivale (si détection positive)	MH/03/16B		x	En complément de la prestation "Détection des espèces de Fusarium spp et microdochium nivale sur grains de céréales", tarif par souche	32/par souche		
PHYTOFR	Détection de Phytophtora fragariae et phytophtora rubi	MOA 016				50.00		
PHYTOA	Détection de Phytophtora alni	MF/07/20				50.00		
OBDI	Détection de Tilletia sp sur semences et grains de céréales	MOA 017 vers. 2a				25.00		
CERAF	Détection de Ceratocystis fimbriata					135.00		
VPHYTOC	Détection de Phytophtora ramorum	MOA 018 Partie B vers. 1a		Х		50.00		
VPLASHA	Détection de Plasmopora halstedii	MF/07/24 a		Х		50.00		
VCONTFON	Recherche des contaminants fongiques	Méthode interne				15.91		
VCONTID	Identification des contaminants fongiques	Méthode interne				31.83		
	DOSAGE	E DE MYCOTOXINES		•				
VOCHR	Dosage de l'ochratoxine A par ELISA	Protocole fournisseur				47.74		
VAFLA	Dosage des aflatoxines totales par ELISA	Protocole fournisseur				47.74		
	DETECTION ET IDE	NTIFICATION DES NEMATO	DES					
VDITDIP	Détection du genre <i>Ditylenchus</i> sur substrats et organes végétaux	MOA 012 et 013		Х		40.00		
VDITDIPI	Identification de Ditylenchus dipsaci/destructor	MOA 012 et 013		х	En complément de la prestation "Détection du genre Ditylenchus sur sols, substrats et organes végétaux" si suspicion uniquement.	134.00		
VGLOBO	Détection des nématodes à kyste de la pomme de terre par élutriation ou centrifugation	MOA 19 vers. 1a		Х		38.00		
VGLOBOI	Identification morphologique et par technique moléculaire de Globodera pallida et de Globodera rostochiensis	MOA 19 partie B vers. 1a		х	En complément de la prestation "Détection des nématodes à kyste de la pomme de terre par élutriation ou centrifugation" si suspicion uniquement	134.00		
VLARVE	Comptage du contenu larvaire sur kystes de nématodes			Х		51.50		
VHETERO1	Détection Heterodera carotae, cruciferae, goettingiana	MOA012 - Méthode interne LSV		х		38.00		
VMELOCR	Confirmation du genre <i>Meloidogyne</i> par PCR					38.00		
VMELO	Détection de <i>Meloidogyne</i> sp sur racines	MOA012 vers. 1a				38.00		
VMELOIR	Identification de <i>Meloidogyne</i> par PCR					74.26		
VMELO	Détection de Meloidogyne sur organes végétaux souterrains	NS/04/06		X uniquement par morphobiométrie	Identification par le laboratoire de la Santé des Végétaux si détection positive	38.00		
VMELOT	Recherche de Meloïdogyne chitwoodi et fallax sur terre	MOA 024 partie A		x		100.00		